

A B	+105	GTGTGCCCGTCTG +117	(SEQ ID NO:1) (SEQ ID NO:2)
A B		TTGTGTGACTCTG +130	
A B	+131	GTAACTAGAGATC +143 .C.GA.	

FIG. 2

A B	+105	GTGTGCCCGTCTG +117	( SEQ I \$ 10:1) ( SEQ I \$ 10:2)
A B	+118	TTGTGTGACTCTG +130	
AB	+131	GTAACTAGAGATC +143 .C.GA.	

FIG. 2